

## **TRACCIATO GENOTIPIZZAZIONE**

- 1. ID ACCETTAZIONE**
- 2. NOME**
- 3. COGNOME**
- 4. DATA DI NASCITA** GG/MM/AAAA
- 5. SESSO** M/F
- 6. COMUNE DI DOMICILIO** : COME PER IL FLUSSO TAMPONI
- 7. DATA INIZIO SINTOMI** GG/MM/AAAA
- 8. DATA RICEZIONE:** GG/MM/AAAA
- 9. REFERTO:** GG/MM/AAAA (E la data di rilascio del referto di genotipizzazione)
- 10. OSPEDALE DI PROVENIENZA**
- 11. ESITO:** POSITIVO/NEGATIVO/NON VALUTABILE
- 12. CODICE FISCALE:** COME PER IL FLUSSO TAMPONI
- 13. TELEFONO PAZIENTE:** INSERIRE UN SOLO NUMERO TELEFONICO AD ESEMPIO 333111222333
- 14. SETTING:** UTILIZZARE STESSI SETTING UTILIZZATI PER I TAMPONI MOLECOLARI
- 15. PROVENIENZA:** COME PER IL FLUSSO TAMPONI
- 16. MATERIALE:** COME PER IL FLUSSO TAMPONI
- 17. MOTIVO GENOTIPIZZAZIONE:** VEDI CODIFICA MOTIVO
- 18. MOTIVO GENOTIPIZZAZIONE SPECIFICO:** Campo testo, max 255 caratteri da valorizzare in caso di ALTRO nel campo "motivo Genotipizzazione"
- 19. METODICA SANGERGENES/NGS :** SANGER/NGS, specifica la metodica utilizzata
- 20. TIPO VARIANTE:** VEDI CODIFICA VARIANTI
- 21. CODICE GISAID:** Codifica GISAID, lunghezza massima 255 caratteri

#### **CODIFICA MOTIVI:**

- "1" : campionamento random
- "2" : Viaggio in zone con alta incidenza di varianti
- "3" : Aumento dei casi o cambiamento nella trasmissibilità e/o virulenza in un'area o focolaio
- "4" : reinfezione
- "5" : individui vaccinati contro SARS-CoV-2 che successivamente si infettano nonostante una risposta immunitaria al vaccino
- "6" : amplificazione negativa del gene S
- "99" : nessuno dei motivi, specificare nel campo aggiuntivo **"MOTIVO GENOTIPIZZAZIONE SPECIFICA"**

#### **CODIFICA VARIANTI**

- "1" VOC202012/01 (variante UK) - lineage B.1.1.7
- "2" 501Y.V2 (variante sudafricana) - lineage B.1.351
- "3" (variante Brazil) - lineage P.1

**Nota:** Nel caso di campo non valorizzato ed esito POSITIVO si assume che la variante sia presente ma non identificata

**ESMPIO DI  
TRACCIATO**

ID						COMUNE
ACCETTAZIONE	ASST_LABORATORIO	NOME	COGNOME	DATA_NASCITA	SESSO	DOMICILIO
9991234X	Spedali Civili di Brescia	Nome1	Cognome1	16/12/1966	M	PAVIA
ABC234553	Policlinico San Matteo Pavia	Nome2	Cognome2	24/01/1980	F	VARZI
222/20021	Policlinico San Matteo Pavia	Nome3	Cognome3	26/07/1944	M	PAVIA

**..SEGUE**

DATA						
INIZIO	DATA	DATA				
SINTOMI	RICEZIONE	GENOTIPIZZAZIONE	OSPEDALE DI PROVENIENZA	ESITO	CODICE FISCALE	TELEFONO
	07/01/2021	10/02/2021	ASST Spedali Civili di Brescia	POSITIVO	AXXAAA66XAAADXAB	333123345
	02/02/2021	04/02/2021	Policlinico San Matteo Pavia	NON VALUTABILE	AXXAAA80XAAADXAB	333222908
	07/01/2021	12/01/2020	Policlinico San Matteo Pavia	POSITIVO	AXXAAA44XAAADXAB	2344555980

**...SEGUE**

				MOTIVO				
SETTING	PROVENIENZA	MATERIALE	MOTIVO	GENOTIPIZZAZIONE	MOTIVO	METODICA	TIPO	CODICE
			GENOTIPIZZAZIONE	SPECIFICO	GENOTIPIZZAZIONE		VARIANTE	GISAID
1_PS_inf	Spedali Civili di Brescia	TNF		1		SANGER	3	
11_PZ_SSS	Policlinico San Matteo Pavia	TNF		2		SANGER		
4_Amb_3115	Policlinico San Matteo Pavia	TNF		1		SANGER		

1° esempio: esito POSITIVO della genotipizzazione, Metodica SANGER, variante Brasiliana Motivazione campionamento Random

2° esempio: esito NON VALUTABILE della genotipizzazione, Metodica SANGER, Motivazione campionamento Viaggio in zona a rischio

3° esempio: esito POSITIVO della genotipizzazione, Metodica SANGER, variante Non identificabile, campionamento Random